(19) 世界知的所有権機関 国際事務局



(43) 国際公開日 2005年3月10日(10.03.2005)

PCT

(10) 国際公開番号 WO 2005/021745 A1

(51) 国際特許分類7:

C12N 15/09,

15/12, C12Q 1/68, G01N 33/50, 33/15

(21) 国際出願番号:

PCT/JP2004/012425

(22) 国際出願日:

2004年8月23日(23.08.2004)

(25) 国際出願の言語:

日本語

(26) 国際公開の言語:

日本語

(30) 優先権データ:

特願2003-299363

2003年8月22日(22.08.2003)

特願2003-334444

2003年9月25日(25.09.2003)

- (71) 出願人(米国を除く全ての指定国について): 学校法人 日本大学 (NIHON UNIVERSITY) [JP/JP]; 〒1028275 東京都千代田区九段南四丁目8番24号 Tokyo (JP).
- (72) 発明者; および
- (75) 発明者/出願人(米国についてのみ): 江角 眞理子 (ESUMI, Mariko) [JP/JP]; 〒1028275 東京都千代田区 九段南四丁目8番24号 学校法人日本大学内 Tokyo (JP). 高山 忠利 (TAKAYAMA, Tadatoshi) [JP/JP]; 〒1028275 東京都千代田区九段南四丁目8番24号 学校法人日本 大学内 Tokyo (JP). 高木 恵子 (TAKAGI, Keiko) [JP/JP]; 〒1028275 東京都千代田区九段南四丁目8番24号 学 校法人日本大学内 Tokyo (JP).

- (74) 代理人: 小林浩, 外(KOBAYASHI, Hiroshi et al.); 〒 1040028 東京都中央区八重洲二丁目8番7号 福岡ビ ル9階 阿部・井窪・片山法律事務所 Tokyo (JP).
- (81) 指定国(表示のない限り、全ての種類の国内保護が 可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA, NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.
- (84) 指定国(表示のない限り、全ての種類の広域保護が可 能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), $\exists -\Box \gamma \prime \uparrow$ (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:

- 国際調査報告書
- 請求の範囲の補正の期限前の公開であり、補正書受 領の際には再公開される。

2文字コード及び他の略語については、 定期発行される 各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語 のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: HEPATOCELLULAR CANCER-ASSOCIATED GENE

(54) 発明の名称: 肝細胞癌に関連する遺伝子

(57) Abstract: It is intended to provide a method of evaluating cancer which comprises the following steps: (a) collecting total RNAs from a specimen; (b) measuring the expression amount of at least one gene from among the genes listed in TABLES 1 to 8; and (c) evaluating cancer by using the measurement data as an indication.

(57) 要約: 本発明は、癌の評価方法であって、以下のステップ: (a) 検体からtotal RNAを採取し、 示される遺伝子の中の少なくとも1つ以上の遺伝子の発現量を測定し、(c) 前記測定結果を指標として癌を評価す ること を含む前記方法を提供する。

